

Laboklin GmbH & Co. KG, Max Kämpf-Platz 1 Postfach, 4002 Basel

orthoVET  
Dr.med.vet. Patrick Blättler Monnier  
Fasanenstrasse 13  
4402 Frenkendorf  
Schweiz

**Untersuchungsbefund Nr.: 2212-C-51280**  
Probeneingang: 12.12.2022  
Datum Befund: 21.12.2022  
Untersuchungsbeginn: 12.12.2022  
Untersuchungsende: 21.12.2022  
Befundstatus: Endbefund

|                         |                                   |
|-------------------------|-----------------------------------|
| Tierart:                | Hund                              |
| Rasse:                  | Australian Shepherd               |
| Geschlecht:             | männlich                          |
| Name:                   | Purple arrow's Let My Fly (Chase) |
| Zuchtbuchnummer:        | A10874                            |
| Chipnummer:             | 7560969000214045                  |
| Geburtsdatum / Alter:   | 7 Jahre                           |
| Probenmaterial:         | EDTA-Blut                         |
| Probenentnahme:         | 02.08.2021                        |
| Patientenbesitzer:      | Hoppler, Marlies                  |
| EDV-Nummer / Befund-ID: | ---                               |

**Nachbestellung vom 12.12.2022 zu Befund-Nr. 2108-C-18146** Originalprobe eingegangen am: 03.08.2021

## **M-Lokus (Allele: Mh, M, Ma+, Ma, Mc+, Mc, m und Mosaik) - PCR \***

Ergebnis: Genotyp M(266)/m

Ergebnis: Genotyp M/m

Interpretation: Das untersuchte Tier ist heterozygot für das M- und m-Allel.

Der Test erfasst die Allele: Mh (harlekin Merle), M (Merle), Ma+ und Ma (atypic Merle), Mc+ und Mc (cryptic Merle) und m (non-merle).

Allelische Reihe: Mh, M, Ma+, Ma, Mc+, Mc > m

Das Ergebnis gilt nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Verantwortung für die Richtigkeit der Angaben zu den eingesandten Proben liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen dafür können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt, im Übrigen haften wir nur für Vorsatz und grobe Fahrlässigkeit, soweit gesetzlich möglich.

Weitere Genveränderungen, die ebenfalls die Ausprägung der Erkrankung/Merkmale beeinflussen können, können nicht ausgeschlossen werden. Die Untersuchung/en erfolgte/n nach dem derzeitigen allgemeinen wissenschaftlichen Kenntnisstand.

Das Labor ist für die auf diesem Befund aufgeführten Untersuchungen akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (ausgenommen Partnerlabor-Leistungen).

**Zuchtverbandsrabatte wurden für rabattfähige Leistungen berücksichtigt!**

Das Methoden-Abkürzungsverzeichnis finden Sie unter [www.laboklin.com](http://www.laboklin.com) in der Rubrik "Leistungen".

Die Untersuchungsergebnisse beziehen sich auf das uns eingesandte Probenmaterial. Dieses war untersuchungsfähig, sofern nichts anderes angegeben ist. Die Richtigkeit der Angaben zu den Proben verantwortet der Einsender. Dieser Prüfbericht darf nur vollständig und unverändert weitergegeben werden. Abweichende Vorgehensweisen bedürfen der schriftlichen Genehmigung der Laboklin GmbH & Co. KG. Hinweis: Wer die in diesem Dokument aufgeführten Daten absichtlich so speichert oder verändert, dass bei ihrer Wahrnehmung eine unechte/verfälschte Urkunde vorliegen würde, oder derart gespeicherte oder veränderte Daten gebraucht, macht sich strafbar und muss mit juristischen Konsequenzen rechnen.

**LABOKLIN ist ein nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 akkreditiertes Labor, mit Nummern D-PL-13186-01-01 und D-PL-13186-01-02. Diese Akkreditierung bezieht sich auf alle in der Akkreditierungsurkunde aufgeführten Prüfverfahren.**

\*: Ausführung durch Partnerlabor



Hr. LM-Chemiker D. Schindelmann  
Abt. Molekularbiologie

**\*\*\* ENDE des Befundes \*\*\***



Laboklin App

**\*\*\* Frohe Weihnachten \*\*\***

Wir wünschen frohe Festtage und bedanken uns für die gute Zusammenarbeit in diesem Jahr. Viel war auf dem Prüfstand in 2022, viele Veränderungen gab es zu überstehen. Wir hoffen, Sie haben uns in diesen wechselvollen Zeiten als stabilen Partner erleben können und genau dies sichern wir gerne auch weiter zu.